

Programm Bruker Daltonik Anwendertreffen

● 22./23. März 2012 in Kassel

	Donnerstag, 22.03.2012	
12.00 h	Anreise und Imbiss	
13.15 h	Begrüßung Arnd Ingendoh, Bruker Daltonik GmbH	Raum Palazzo
13.45 h	Geht nicht, gibt's nicht: MALDI-Typisierung von Influenzaviren, Shiga-Toxin produzierenden E.coli, Gewebekulturen und Zecken Axel Karger, Friedrich-Loeffler-Institut, Greifswald	Raum Palazzo
14.15 h	Aufteilung in parallele Sessions: Kundenvorstellung in den einzelnen Sessions (2-3 Folien)	
15:15 h	Kaffeepause	Foyer
15.45 - 18.00 h	Aufteilung in parallele Sessions:	Diverse Räume
	<p>Charakterisierung von Proteinen, Lipiden und Kohlenhydraten</p> <ol style="list-style-type: none"> 1. Qualitätskontrolle von Proteinen mittels maXis UHRTOF MS Dieter Stoll, NMI Reutlingen 2. Characterization of 2-AA labeled N-Glycans from mAbs using RP-LC and Ion-Trap Mass Spectrometry Fabian Higel, Sandoz Biopharmaceuticals 3. The Glycoproteomics perspective of male infertility - a first insight Daniel Kolarich, Max-Planck-Institut f. Kolloid- u. Grenzflächenforschung 4. Charakterisierung von therapeutischen Antikörpern mit hochauflösender Massenspektrometrie Isabell Hermann/Bianca Eser, Roche Diagnostics GmbH Penzberg 	  

Programm Bruker Daltonik Anwendertreffen

● 22./23. März 2012 in Kassel

	Donnerstag, 22.03.2012	
	<p>Proteomics & Biomarker</p> <ol style="list-style-type: none"> 1. Identifizierung von Steroid bindenden Proteinen Ralf Lösel, Fachhochschule Nürnberg 2. MALDI imaging in ex-vivo human skin - challenges and limitations Bernd Enthaler, Beiersdorf AG 3. Kopplung von Hochleistungsdünnschichtchromatographie und Massenspektrometrie zur Analyse von Peptidgemischen Kathrin Tschersch, Uni Hamburg 4. Analysis of Tissue Micro Arrays with MALDI Mass Spectrometric Imaging Markus Wurlitzer, Uniklinikum Hamburg 	
	<p>Small Molecules I</p> <ol style="list-style-type: none"> 1. Gas chromatography - atmospheric pressure chemical ionization - time of flight mass spectrometry for qualitative and quantitative metabolomics Christian Wachsmuth, Uni Regensburg 2. Development of methods to identify previously unknown secondary metabolites from myxobacteria based on a comprehensive metabolic profiling workflow Thomas Hoffmann, HZI Saarbrücken 3. Host-Pathogen interactions of <i>Caenorhabditis elegans</i> and <i>Pseudomonas aeruginosa</i> - A non-targeted metabolomics approach Michael Witting, HZI München 4. Identifizierung potentieller Metabolit-Biomarker zu Diabetes mellitus mittels UHPLC-UHR-QTOF-MS Ernst Meiß, Universität Hamburg 	

Programm Bruker Daltonik Anwendertreffen

● 22./23. März 2012 in Kassel

	Donnerstag, 22.03.2012	
	<p>Small Molecules II</p> <ol style="list-style-type: none"> 1. LC/MS von Textilfarbstoffen Ralf Steffens, Bezema AG 2. Systematische Untersuchung der MS-Fragmentierung von 3-Alkylpyridin-Alkaloiden Matthias Köck, AWI Bremerhaven 3. Fast HPLC separation of PMP-sugar-derivatives and quantification with UV-ESI-Iontrap Broder Rühmann, TU München 4. Textilchemische Analytik-Massenspektroskopie zur Identifizierung von Farb- und Schadstoffen in Textilien Antje Melzer, Sächsisches Textilforschungsinstitut 	
	<p>Polymere</p> <ol style="list-style-type: none"> 1. Analysis of statistical copolymers by MALDI-ToF MS Sarah Crotty, Universität Jena 2. MassChrom2D - Software zur Bestimmung der Zusammensetzung von Copolymeren nach Trennung und Fraktionierung mittels HPLC-MALDI-TOF MS Steffen Weidner, Bundesanstalt für Materialforschung und -prüfung 	
	<p>Chemische Analytik</p> <ol style="list-style-type: none"> 1. Analyse von Nikotin in Speisepilzen Christoph Müller, LMU München 2. Nachweis und Bestimmung von 250+ Pflanzenschutzmitteln mit dem Scion TQ Gordon van't Slot, Bruker Daltonik GmbH 3. Aurora M90 ICP-MS: Elementanalytik in Höchstform Maike Hamester u. René Chemnitzer, Bruker Daltonik GmbH 	
19.30 h	Wir laden Sie ein zu einem gemeinsamen Abendessen im La Strada Hotel	Restaurant des La Strada

Programm Bruker Daltonik Anwendertreffen

● 22./23. März 2012 in Kassel



	Freitag, 23.03.2012	
9.00 h	Neue Trends in der Massenspektrometrie Arnd Ingendoh, Bruker Daltonik GmbH	Raum Palazzo
9.30 h	Use of uHPLC-DAD/MS analytics for the early identification of natural products in microbial extracts Philipp Krastel, Novartis Pharma AG, Basel	Raum Palazzo
10.00 h	Anwendung von MS-Techniken in der forensischen Analytik Jürgen Kempf, Albert-Ludwigs-Universität Freiburg	Raum Palazzo
10.30 h	Kaffeepause	Foyer
11.00 h	Quad, TOF, ICR & Co. - Massenspektrometrie im Pflanzenschutz Jan Willmann, BASF SE, Limburgerhof	Raum Palazzo
11.30 h	Lebensmittel: Ist drin was drauf steht? Markus Fischer, Universität Hamburg	Raum Palazzo
12.00 h	LC-MS/MS in the Clinical Laboratory Peter Findeisen, Medizinische Fakultät Mannheim	Raum Palazzo
12.30 h	Gemeinsame Abschlussdiskussion	Raum Palazzo
12.45 h	Wir wünschen Ihnen eine gute Heimfahrt!	